



Universidad Autónoma Agraria Antonio Narro

Dirección de Investigación Subdirección de Programación y Evaluación

Proyecto de Investigación

Título del proyecto

Responsable y Departamento:

Evaluación fenológica de genotipos de algodón nativo de colores del género *Gossypium* para su caracterización

MC. FELIPA MORALES LUNA

Año:2022

Resumen breve

El cultivo de algodón en México llegó a ser uno de los principales exportadores a principios de la década de los sesenta y, a partir de la mitad del decenio de los setenta, el cultivo comenzó a perder relevancia debido a los crecientes costos de producción, la caída de los precios, la incidencia del picudo del algodonoero.

En la actualidad el cultivo se encuentra en proceso de recuperación, gracias a que se han introducido importantes innovaciones tecnológicas, adopción de semillas modificadas genéticamente y el sistema de siembra en surcos estrechos, las cuales se han bajan los costos de control fitosanitario, mejor uso del agua y aumento en los rendimientos en la producción de fibra.

En nuestro país se encuentran especies nativas de fibra de color del género (*Gossypium*), las fibras de color son de gran valor artesanal para la confección de diferentes prendas de vestir, por lo que se tomó como objetivo de investigación, ya que existe poca información de sus diferentes etapas fenológicas, las semillas fueron colectadas en los estados de Chiapas, y Oaxaca y se establecerá el proyecto en el las Instalaciones de Centro Académico Regional Chiapas, ubicado en el Rancho la Concordia, municipio de Cintalapa de Figueroa Chiapas. La fase experimental será de bloques al azar en donde se sembrarán de manera tradicional en suelos franco-arenoso, se seleccionarán 25 plantas al azar para determinar su fenología.

Objetivo general:

Evaluar genotipos nativos de algodón de colores para determinar su fenología, así como para su conservación

Palabras Clave:

Algodón nativo; fibras de color, fenología

Problema a resolver

Conservación de genotipos nativos de algodón e incrementar la variabilidad genética